

AZIONE 2 – 3° IOV: PUBBLICAZIONE DATI DI STATISTICA DESCRITTIVA RISPETTO AI CARATTERI RILEVATI PER LA RAZZA RENDENA

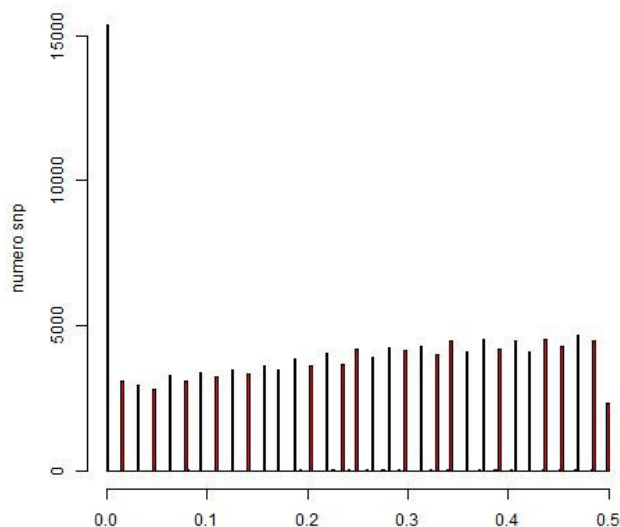
STATISTICHE DESCRITTIVE INERENTI LA GENOTIPIZZAZIONE IN SOGGETTI DI RAZZA RENDENA NELL'AMBITO DEL PROGETTO DUAL BREEDING

Di seguito vengono riportate alcune statistiche di sintesi inerenti le analisi genomiche effettuate su 274 soggetti di razza Rendena

1. Minor Allele Frequency (MAF): Identifica l'allele con minor frequenza tra tutti i marcatori analizzati.

Media	Mediana	Min.	Max.	SNP mancanti
0.250	0.242	0.000	0.500	182

MAF



2. CALL RATE (SNP): Indica con che percentuale sono mediamente presenti gli SNP esaminati.

Media	Mediana	Min.	Max.
0.998	1.000	0.000	1.000

Numero di SNP (n=2) con Call rate sotto al 90%.

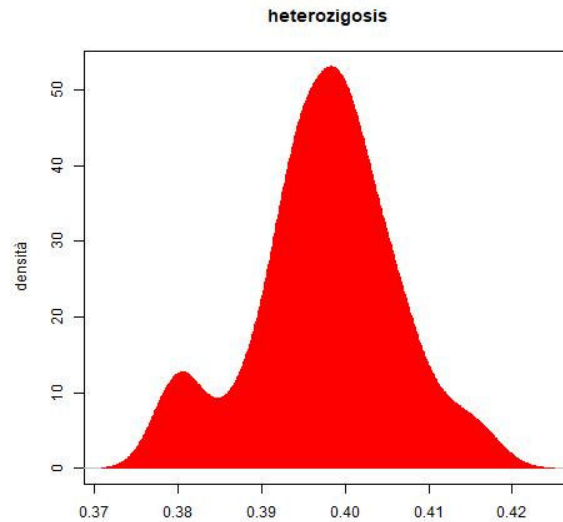
Call rate	Nome SNP
0.812	BovineHD2300007121
0.875	BTA-56520-no-rs

3. CALL RATE (ANIMALE): Indica con che percentuale sono mediamente presenti gli SNP esaminati per ogni animale su cui è stata fatta l'analisi genomica.

Call rate Animale Medio
0.997

4. ETEROZIGOSI: Percentuale di alleli SNP eterozigoti (ovvero tra loro diversi, tipo GA, GT, etc.)

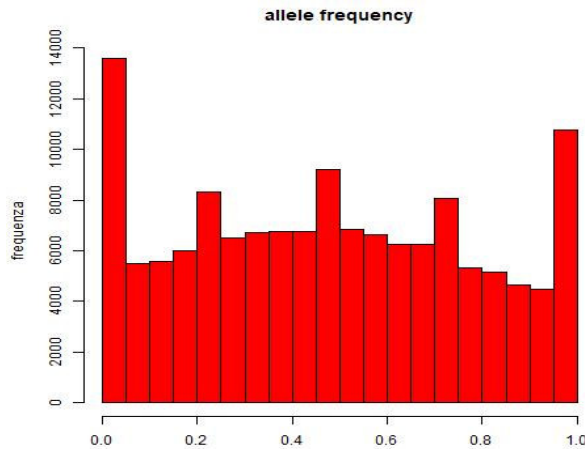
Media	Mediana	Min.	Max.
0.399	0.397	0.397	0.416



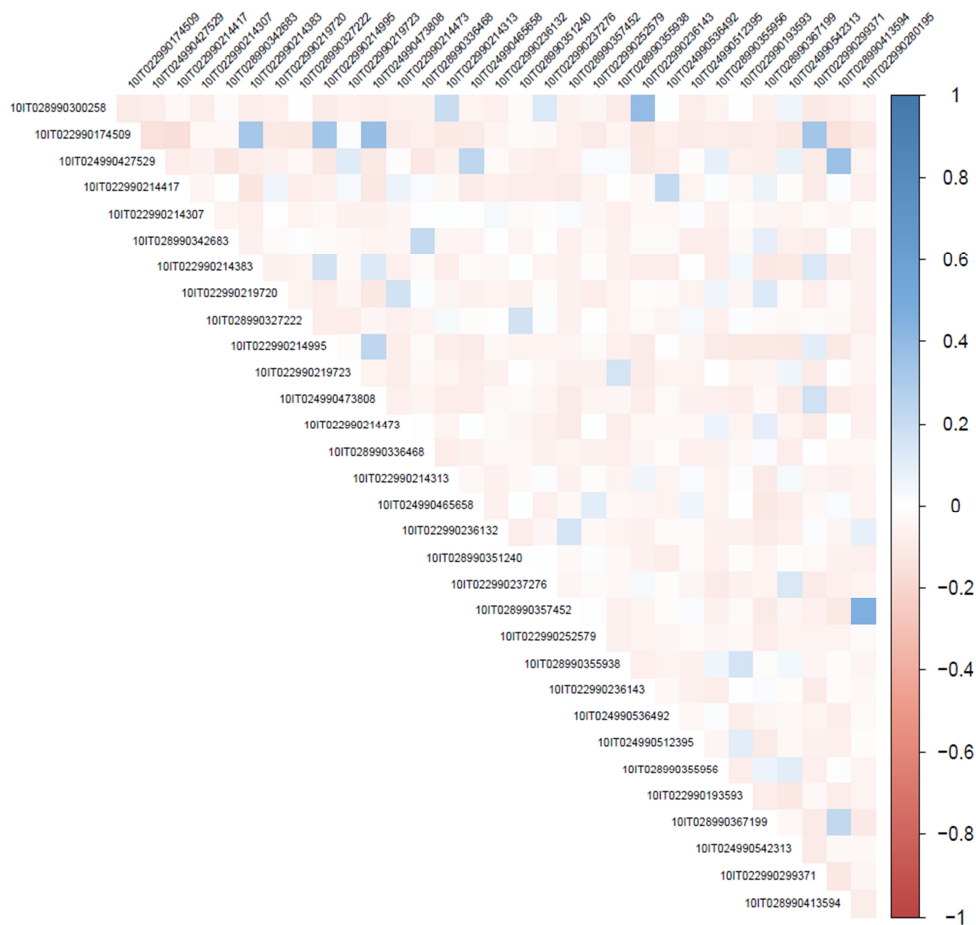
Animale	Call rate	Eterozigosi
10IT028990300258	0.998	0.406
10IT022990174509	0.998	0.394
10IT024990427529	0.998	0.401
10IT022990214417	0.998	0.399
10IT022990214307	0.998	0.398
10IT028990342683	0.998	0.395
10IT022990214383	0.998	0.416
10IT022990219720	0.998	0.394
10IT028990327222	0.998	0.399
10IT022990214995	0.998	0.399
10IT022990219723	0.998	0.400
10IT024990473808	0.998	0.392
10IT022990214473	0.998	0.400
10IT028990336468	0.998	0.409
10IT022990214313	0.998	0.389
10IT024990465658	0.998	0.403
10IT022990236132	0.998	0.406
10IT028990351240	0.998	0.394
10IT022990237276	0.998	0.387
10IT028990357452	0.997	0.403
10IT022990252579	0.998	0.380
10IT028990355938	0.998	0.406
10IT022990236143	0.998	0.412
10IT024990536492	0.998	0.392
10IT024990512395	0.997	0.399
10IT028990355956	0.997	0.394
10IT022990193593	0.997	0.404
10IT028990367199	0.998	0.381
10IT024990542313	0.996	0.380
10IT022990299371	0.998	0.395
10IT028990413594	0.998	0.397
10IT022990280195	0.998	0.400

5. ALLELE FREQUENCY: Identifica la frequenza media di entrambi gli alleli di uno stesso locus. La percentuale di locus con un solo allele è risultata pari al 11.2%.

Media	Mediana	Min.	Max.	NA's
0.469	0.4788	0.000	1.000	182



6. PARENTELA GENOMICA: Parentela calcolata sulla base dei marcatori SNP comuni tra i soggetti testati (n=274). Valori tendenti al Blu indicano elevato legame di parentela, tendenti al Rosso scarso legame di parentela.



7. INBREEDING GENOMICO: Livello di inbreeding o consanguineità desunta dalla parentela genomica: I valori <1 indicano basso grado di inbreeding (omozigosi). L'esempio riporta un numero finito di soggetti su cui è stato calcolato l'inbreeding genomico (n=274).

Animale	Inbreeding Genomico
10IT028990300258	0.943
10IT022990174509	0.913
10IT024990427529	0.935
10IT022990214417	1.053
10IT022990214307	1.030
10IT028990342683	1.003
10IT022990214383	0.889
10IT022990219720	1.012
10IT028990327222	0.991
10IT022990214995	0.966
10IT022990219723	0.993
10IT024990473808	0.957
10IT022990214473	1.032
10IT028990336468	1.022
10IT022990214313	1.021
10IT024990465658	0.994
10IT022990236132	1.023
10IT028990351240	1.011
10IT022990237276	0.998
10IT028990357452	1.001
10IT022990252579	1.045
10IT028990355938	0.999
10IT022990236143	0.973
10IT024990536492	1.033
10IT024990512395	1.019
10IT028990355956	0.990
10IT022990193593	1.007
10IT028990367199	0.997
10IT024990542313	0.964
10IT022990299371	0.972
10IT028990413594	0.956
10IT022990280195	1.062